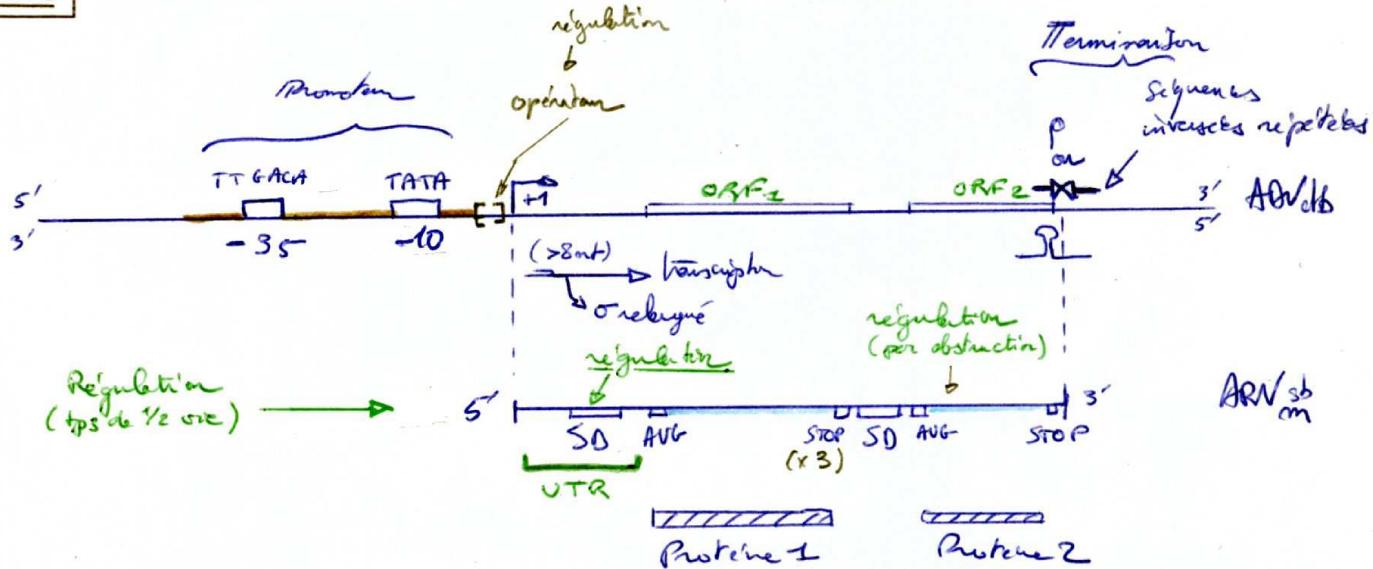
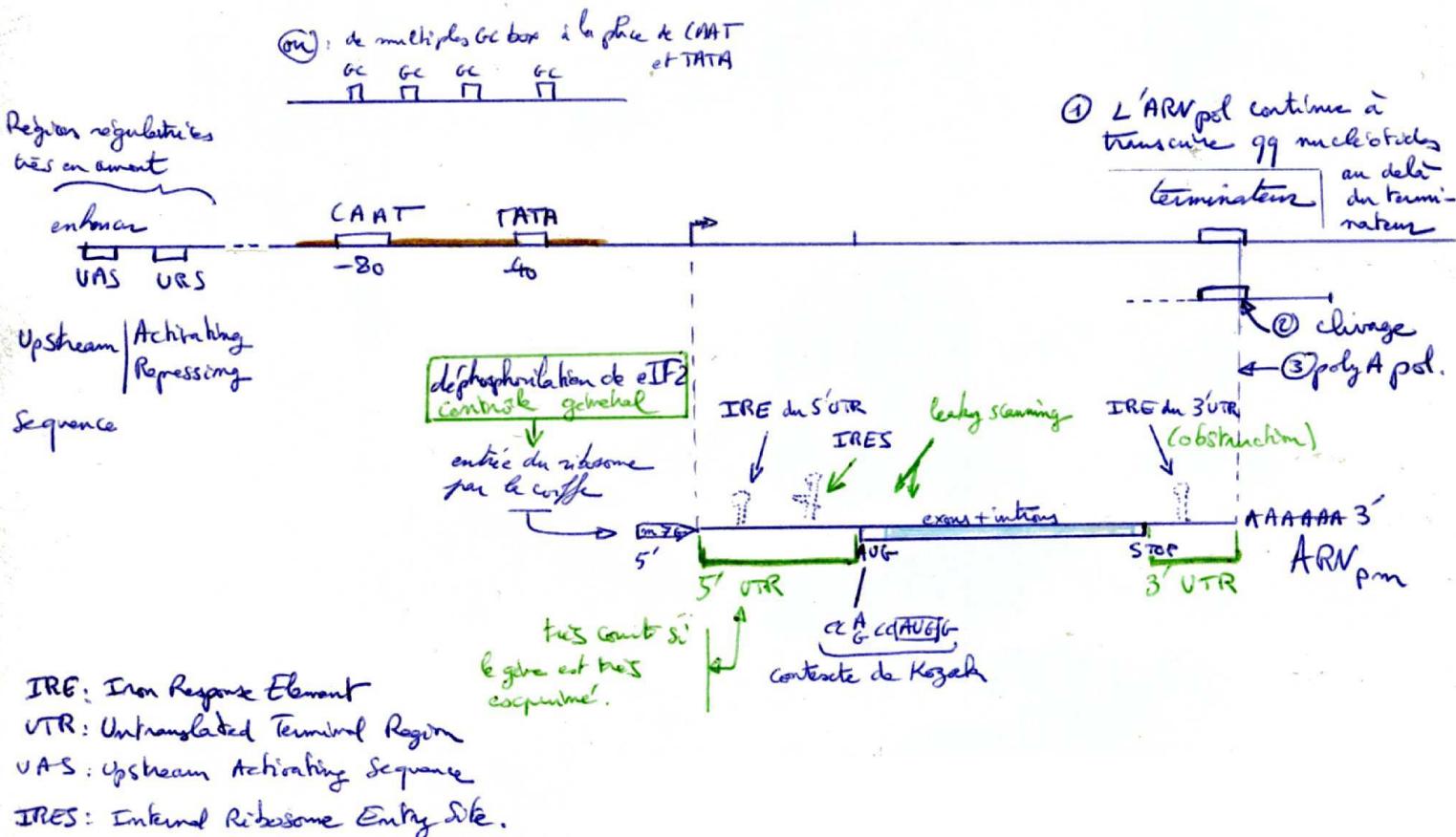


Eucaryotes



LE PETIT LIVRET BLANC DE LA TRANSCRIPTION, DE LA TRADUCTION ET DE LEURS REGULATIONS

Eucaryotes



La transcription

initiation
et
élongation

chez les procaryotes, l'ARN polymérase $\alpha_2 \beta\beta'$ reconnaît la boîte TATA (le promoteur) grâce à la présence du facteur σ .

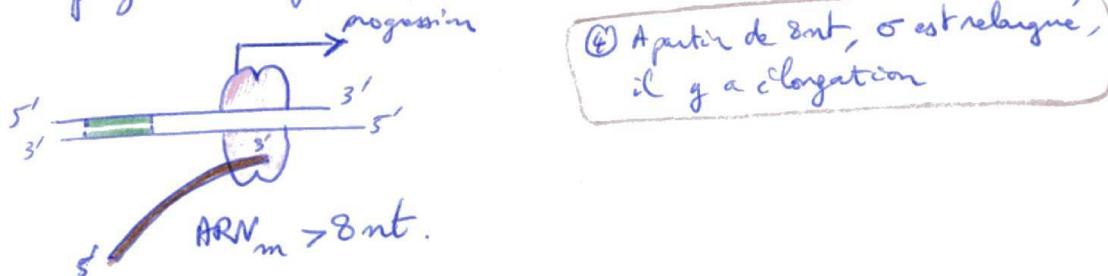
(@fixation non spécifique et migration vers le promoteur)

Formation d'un complexe avec le promoteur

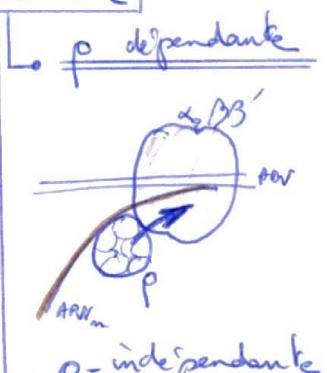
Le complexe formé par l'holoenzyme $\alpha_2 \beta\beta' - \sigma$ ouvre le ds brin. La synthèse d'ARN est initiée. La plupart des initiations échouent relâchant de petits résidus (2 à 3 résidus de long).



Lorsque l'élongation atteint 8 nucléotides, la probabilité que le facteur σ se détache augmente. Lorsque le facteur sigma se détache, la polymérase peut progresser et réaliser l'élongation.

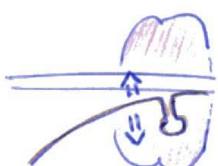


Termination



La protéine p se fixe en complexe ADN-ARN-ARNpol. Elle se déplace vers le 3' de l'ARN, le dissociant de sa matrice d'ADN. L'ensemble du complexe se dissout.

des séquences inversées répétées forment des structures tige - boucle. Elles stabilisent la liaison ADN-ARN.



chez les eucaryotes, les différences sont dues à deux éléments précis :

- (1) l'ARN polymérase ne se fixe pas seul sur le promoteur ;
- (2) l'ARN polymérase ne sait pas ouvrir le double brin d'ADN.

① on destabilise les nucleosomes et on attache une protéine à la boîte TATA



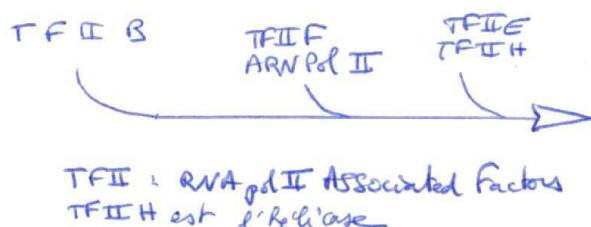
TBP : TATA Binding Protein

TAF : TBP Associated Factors & déstabilisent les nucleosomes.

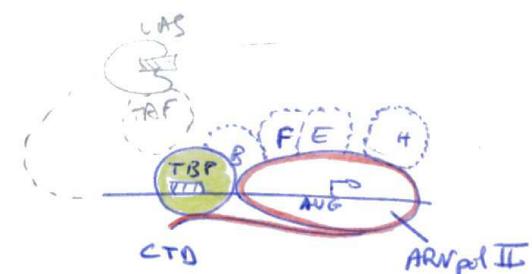
② TBP recrute l'ADN : le promoteur et les UAS se rapprochent spatialement



③ A l'aide d'autres facteurs de transcription, on recrute pour stabiliser l'ARN polymérase.



TFII : RNA pol II Associated Factors
TFII H est l'hélicase



④ on recrute TFII H, l'hélicase nécessaire à la transcription encaryote.

⑤ dégagement du promoteur par phosphorylation du CTD.

La phosphorylation du "C-ter Domain" autorise l'ARN pol à se dissocier de TBP pour l'elongation du brin.

NB: ce n'est un modèle.

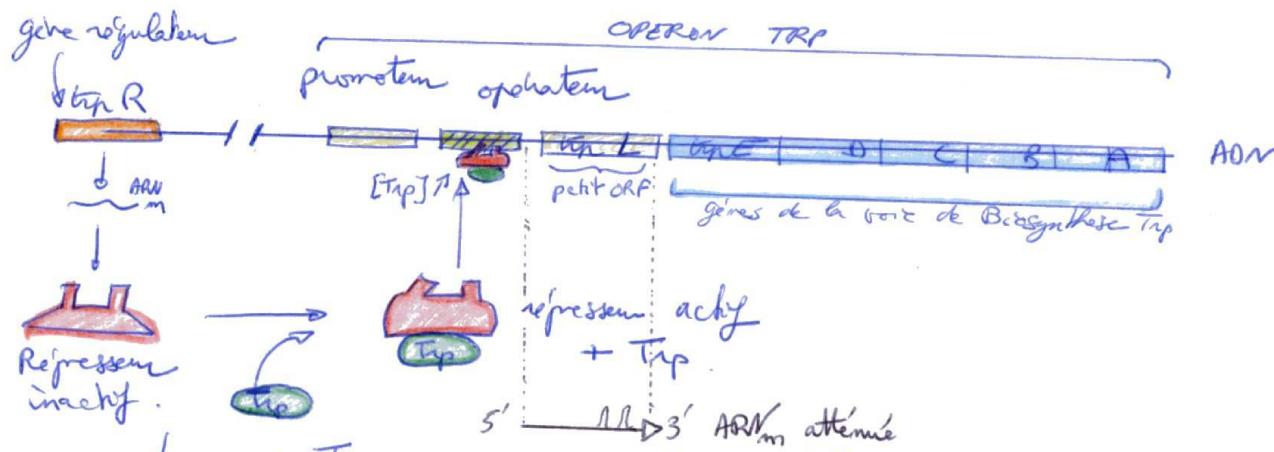
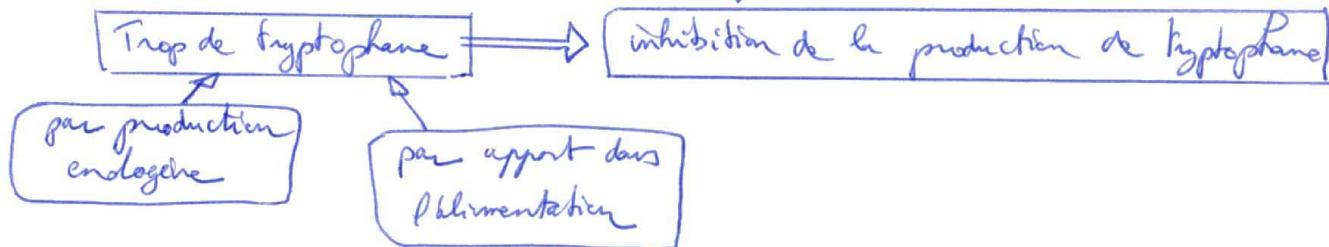
Régulation de la transcription

PROKARYOTES

TRANSCRIPTION ③

▷ opéron tryptophane : le processus d'atténuation.

Bonhe de sérotonine, la production de tryptophane par l'organisme permet à celui-ci d'inhiber la production de tryptophane.

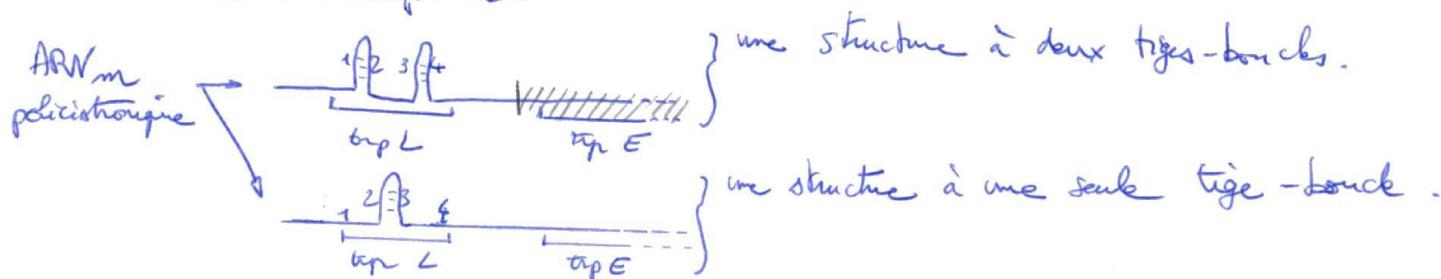


▷ en absence de Trp, le répresseur est inactif. Il y a transcription de l'opéron entier.

▷ en présence d'une forte concentration de Trp, Trp agit comme un corepresseur en se fixant au répresseur. Le répresseur prend une conformation qui lui permet d'être actif. Il y a arrêt de la transcription quand le répresseur se fixe sur l'opérateur (obstruction de l'ADN).

▷ Il existe un système de sécurité qui empêche toute transcription de l'opéron (mécanisme collaboratif, en plus du blocage effectué par le répresseur au niveau de l'opérateur) à forte [TrpJ].

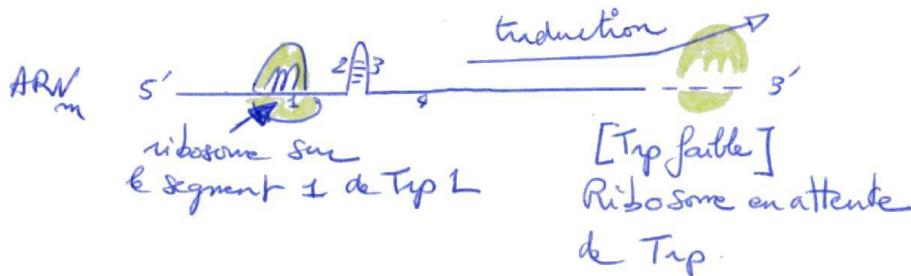
Le répresseur trpL est capable de former deux conformations différentes de structures tiges-boucle sur l'ARN messager issu de la transcription.



À faible concentration de Trp, le ribosome en cours de

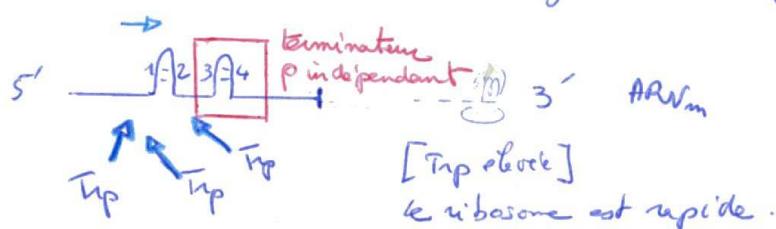
traduction doit attendre longtemps sur le segment 1. Le ribosome est retardé sur le segment 1 car il doit y incorporer du Trp deux fois.

Le segment 1 est masqué et ne peut s'apparier avec le segment 2. Celui-ci forme une tige-boucle avec le segment 3.



par le ribosome poussant la traduction.

- A forte concentration de Trp, il est facile de polymériser la chaîne lorsqu'un triplet code pour Trp. Le segment 1 est libre et forme une structure secondaire avec le deuxième segment. Il y a alors deux tiges-boucles.



Or, la structure formée par la deuxième tige est un terminateur de transcription p-indépendant.

Bilan Etez les prokaryotes, transcription et traduction sont couplées.

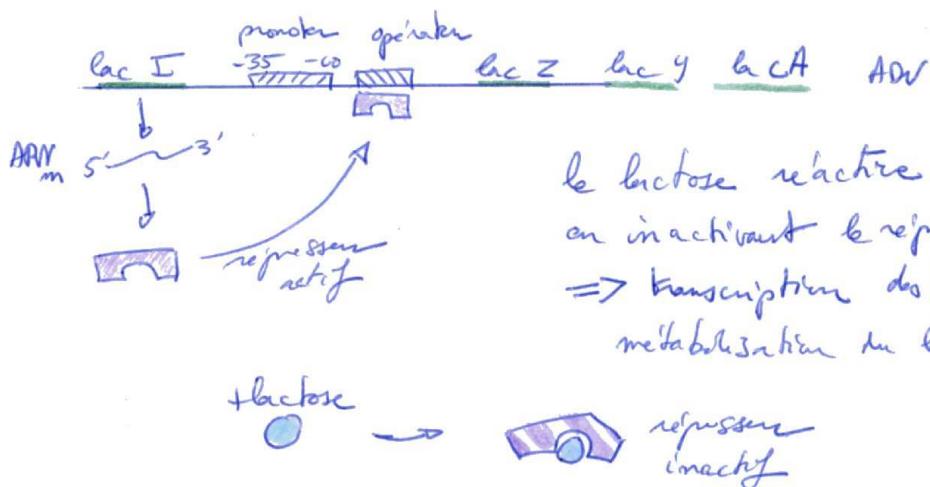
A forte concentration de Trp, dès que l'ARN_m est produit, il est reconnu de ribosomes qui synthétisent les enzymes de la voie de biosynthèse.

A forte concentration de Trp, il y a activation du répresseur et formation d'un terminateur p-indépendant en amont du message dont l'initiation de la transcription aurait pu être réussi malgré le blocage au niveau de l'opérateur. Le terminateur est formé grâce à l'avancement rapide des ribosomes.

Ainsi, tout ARNm formé en conditions de répression est un ARNm atténué (court).

➤ une régulation procaryote négative par défaut

En absence de lactose, un répresseur se fixe sur l'opéron lactose (J. Monod, F. Jacob, 1961, IP).



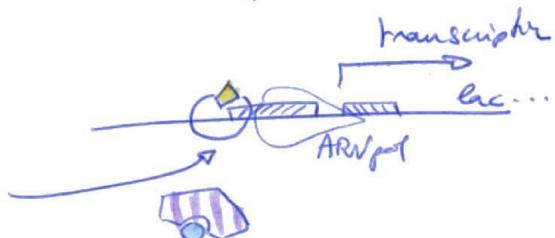
le lactose réactive l'opéron en inactivant le répresseur.
⇒ transcription des trois gènes et de métabolisation du lactose.

➤ une régulation procaryote positive

Avec du lactose, dans les conditions où le répresseur de l'opéron est inactif, il faut faciliter activement la transcription pour qu'elle ait lieu.

- La protéine réceptrice d'AMPc stimule l'expression génique.
Quand la concentration de glucose dans la cellule diminue, il y a plus d'AMPc*, l'AMPc se lie à la Protéine réceptrice qui facilite l'insertion de la polymérase sur le promoteur. On va donc métaboliser le lactose.

* par activation
de l'adénylyl cyclase
chez E. coli
by Prok pg ??
④ Cf. CC.



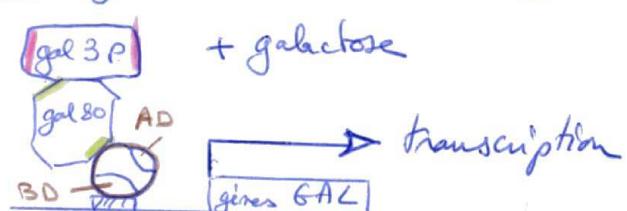
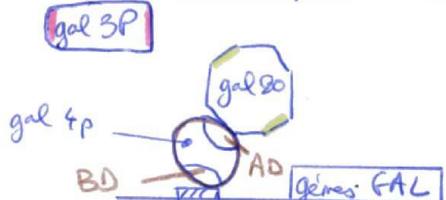
Régulation transcriptionnelle chez les eucaryotes

→ utilisation des UAS et VRS. Des éléments régulateurs agissant en trans* se fixent souvent sur les enhancers situés loin du gène régulé.

élément cis (à côté du gène régulé)

* L'élément en trans voyage jusqu'à sa cible.

→ un exemple : le système GAL chez la bactérie S. cerevisiae



En absence de galactose, gal80 est fixée sur le domaine d'activation de la transcription de gal4p (AD = Activating Domain).

Avec addition de galactose (c'est l'induction), Gal3p acquiert une affinité pour Gal80p. Elle oblige gal80 à libérer le domaine AD de Gal4p qui va intégrer avec l'ARN polymérase II.

⇒ transcription.

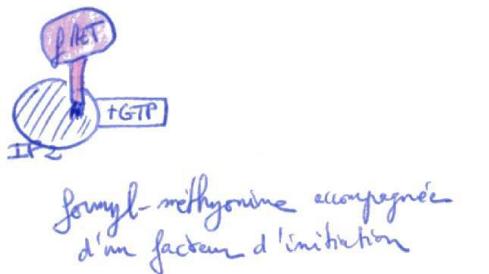
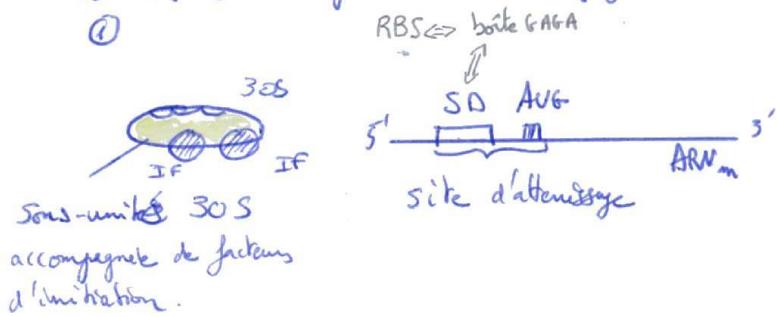
tableau des ARN polymérase.

ARN pol I	= ARNr
ARN pol II	= ARNm
ARN pol III	: petits ARN (ARN _t , ARN _{5S}) .

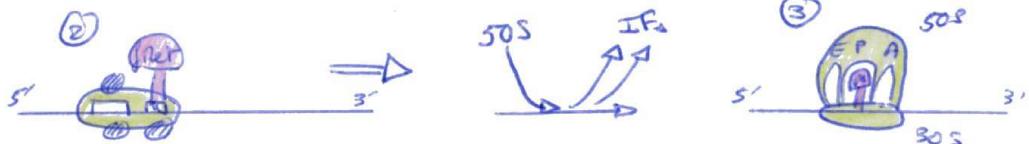
L'initiation de la traduction

Chez les procaryotes, l'ARNm inclut une séquence Shine - Dalgarno et le codon START (AUG) qui constituent une véritable "piste d'atterrissement" pour le ribosome procaryote. (=RBS - ribosome binding site). ARNm

A l'état initial (avant l'initiation de la traduction), les éléments essentiels sont séparés et accompagnés de facteurs d'initiation (IF).



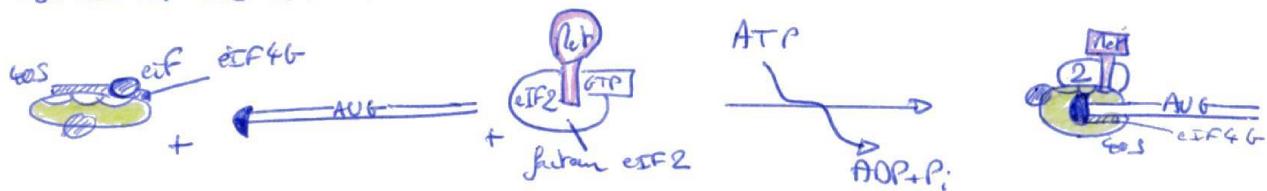
les éléments se fixent sur le site SD + AUG. ②



La libération des IF permet ensuite la fixation de la grande sous-unité ribosomale. ③

La traduction procaryote est couplée à la transcription.

Chez les eucaryotes le complexe ribosomal va en premier se fixer sur la coiffe [m7GPP]. (le pétage avant l'atterrissage). Les éléments, d'abord séparés et accompagnés de facteurs d'initiations eIF, s'y assemblent en consommant un ATP.



Le relâchement des cofacteurs eIF permet la mise en place du ribosome à l'AUG. Le ribosome, s'étant d'abord fixé sur la coiffe, parcourt l'ARN jusqu'à l'AUG.



Le facteur eIF2-GTP est absolument nécessaire au démarcage de la traduction. ⇔ régulation.

Régulation de la traduction chez les eucaryotes.

- la phosphorylation de eIF2 (contrôle général du démarrage)
- le leaky scanning (IRE)
- par obstruction (IRE)
- par les IRES (site interne d'entrée des ribosomes).

Il faut ajouter à ces quatre niveaux de contrôle le fait que les polyribosomes (ARN + simple brin) peuvent cliver eIF4G : ils n'ont besoin que d'une partie de ce facteur pour atterrir le ETS sur leur IRES. Le polyribosome inhibe la traduction endogène.

• phosphorylation de eIF2

Lorsque la cellule est en manque d'héine, elle active des kinases et eIF2 \leftrightarrow est déphosphorylé. Il est alors actif et peut charger une méthionine.

eIF2 est le dernier maillon des voies de régulation qui permettent aboutir au blocage de la traduction.

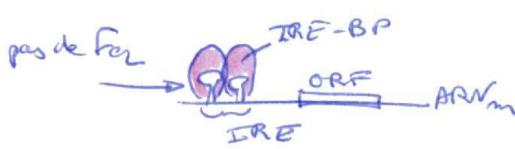
↔ C'est le contrôle général du démarrage

- le leaky scanning apparaît lorsque le premier AUG est dans un contexte défavorable (par exemple une distance corse - AUG trop courte).



• Contrôle par obstruction du message

Exemple de l'ARNm de la ferritine. Si il n'y a pas de fer à stocker, les IRE-BP (protéines de fixation aux éléments de réponse au fer) sont actives et obstrue l'ARNm en se fixant sur les IRE (élément de réponse au fer).



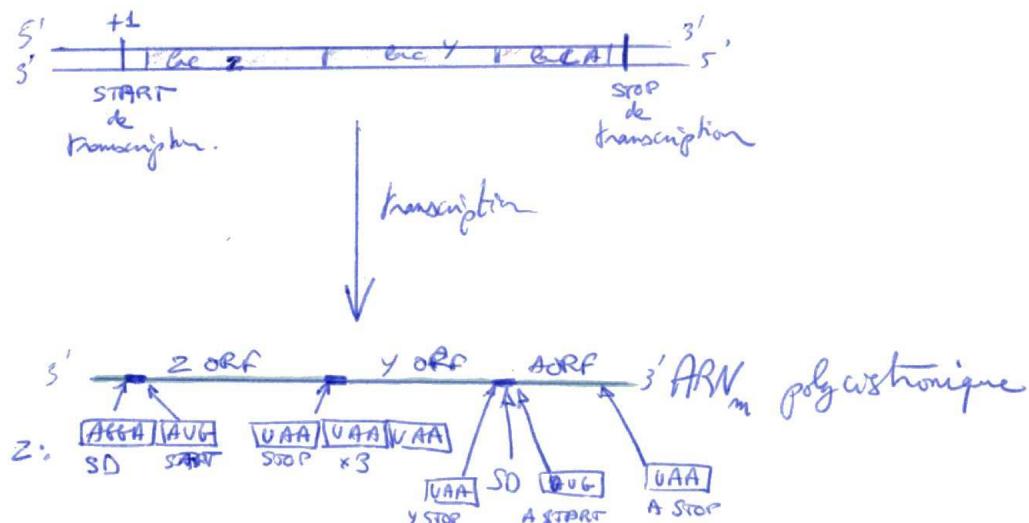
! IRE = Iron Response Element.

• Démarrage à partir de sites d'entrée internes (IRES)

De nombreux ARN_m ont des IRES en 5'. C'est également le cas de l'ARN+ simple brin des polyribosomes

! IRES Internal Ribosome Entry Site.

Organisation génique chez les prokaryotes

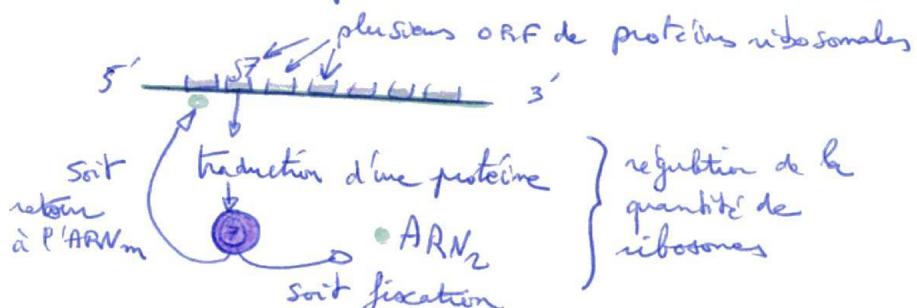


- 3 codons stop se suivent \Rightarrow augmente l'efficacité de la terminaison
- n'est révélé que pour les gènes à très forte expression.

Régulation de la traduction chez les prokaryotes

- modulation du niveau d'expression par la séquence de Shine-Dalgarno
 - cette séquence est variable. Plus elle est complémentaire avec celle du 16S, plus souvent (statistiquement) la transcription démarre.
 - la distance entre SD et AUG a un impact sur le nombre d'initiations.
- modulation par obstruction de l'ARN_m

Par exemple, la synthèse de toutes les protéines ribosomales n'est possible que si les premières protéines ribosomales se fixent aux ARN_r (pour lesquels ces premières protéines ont une forte affinité). Sinon, elles restent fixées sur les transcrits polycistroniques ribosomiaux et empêche leur traduction.



- Certains gènes restent méthylés après le développement mais le profil de méthylation d'un individu va varier au cours de sa vie. Ainsi, les voies jumelles eux-mêmes ne sont-elles pas totalement identiques.
- Avec l'âge la méthylation peut se lever : cela déclenche des cancers. Les marques épigénétiques sont tellement importantes pour la régulation des gènes qu'on observe une réactivation anarchique de programmes génétiques dans les cellules cancéreuses hypométhylées : appariition de morceaux de dent dans les tumeurs (source : Team Fanciulli, IGR Villejuif).
- Chez les plantes, le PTGS peut être déclenché si le virus encapside des fragments d'ADN de la plante → ARN ds avec des ARN endogènes → la plante se tue.

EMPREINTE PARENTALE

- les génomes de la mère et du père ne sont pas équivalents fonctionnellement.
→ la mère et le père
→ un gène muté sur l'allele non masqué par l'empreinte : aucun gène fonctionnel
→ chez la souris le gène ♀ développe l'embryon, le gène ♂ développe les annexes.

Pour un gène soumis à l'empreinte parentale, l'allele exprimé dépend de l'origine parentale du chromosome qui le porte.

- (1) Le marquage différentiel des chromosomes parentaux s'effectue sur les chromosomes démethylés au début de la gaméto-génèse.
 - (2) Il est stable au cours des divisions mitotiques.
- Posons que l'adulte un gène soumis à l'empreinte parentale. Igf2 (insulin growth factor) ne s'exprime qu'à partir de l'allele d'origine paternelle.



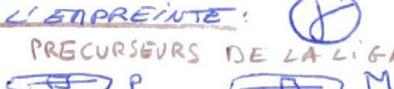
La transmission de l'empreinte modifie la transmission mendélienne.

F₁: PM PM PM PM
 phénomène taille [grand] [moyen] [petit]

peut de la Natty latte

(1) EFFACEMENT DE L'EMPREINTE : les adultes produisent PRECURSEURS DE LA LIGNEE GERMINALE

F₁: 100% [moyen] normal



On voit que le phénomène d'empreinte suppose la réversibilité de celle-ci. Si on n'éfface pas l'empreinte, on ne peut la reproduire selon le même état en F₁.

(2) De nouvelles empreintes selon l'origine du chromosome sont établies dans l'embryon. ⇒ Postachy.

